

DETECÇÃO E IDENTIFICAÇÃO MOLECULARES DE *Borrelia* spp. EM CARRAPATOS DO PARQUE NACIONAL DO IGUAÇU, BRASIL
MOLECULAR DETECTION AND IDENTIFICATION OF *Borrelia* spp. IN TICKS OF PARQUE NACIONAL DO IGUAÇU, BRAZIL

C.A. Santos¹, A. Suzin², A. Vogliotti³, P.H. Nunes³, A.R.M. Barbieri⁴, M.B. Labruna⁴, J. Yokosawa⁵, M.P.J. Szabó⁶

¹Programa de Pós-Graduação (PPG) Imunologia e Parasitologia Aplicadas, Universidade Federal de Uberlândia (UFU); ²PPG Ecologia e Conservação de Recursos Naturais, UFU; ³Universidade Federal da Integração Latino Americana (UNILA) ⁴Depto. de Medicina Veterinária Preventiva e Saúde Animal, Universidade São Paulo (USP); ⁵Laboratório de Virologia, Instituto de Ciências Biomédicas, UFU; ⁶Laboratório de Ixodologia, Faculdade de Medicina Veterinária, UFU

Borrelia spp. são espiroquetas gram-negativas e podem ser transmitidas pela picada de carrapatos durante o repasto sanguíneo no hospedeiro. Espécies patogênicas deste microrganismo em humanos são causadoras da doença de Lyme, principalmente na América do Norte. Nosso estudo teve como objetivos detectar e identificar molecularmente *Borrelia* spp. em carrapatos coletados no Parque Nacional do Iguaçu (PNI), Paraná, Brasil. Os carrapatos foram coletados no ambiente e em hospedeiros durante o período de maio de 2015 a julho de 2017. No total, foram analisados 705 carrapatos, sendo 624 coletados de ambiente e 81 de hospedeiros, dos seguintes estágios de desenvolvimento: 34 larvas, 500 ninfas e 50 adultos (19 machos e 31 fêmeas). As espécies analisadas foram: *Amblyomma brasiliense* (38,86%); *A. coelebs* (19,85%); *Amblyomma* sp. (17,73%); *A. incisum* (9,36%); *A. ovale* (6,66%); *Haemaphysalis juxtakochi* (6,52%); *Rhipicephalus microplus* (0,56%); *A. longirostre* (0,28%); *R. sanguineus* (0,14%). A extração de DNA foi realizada em *pools* de carrapatos quando em estágio de larva ou ninfa, ou individuais, em estágio de vida adulta, totalizando 250 amostras. A PCR utilizada para detecção do DNA de *Borrelia* spp. foi realizada em dois *rounds* com oligonucleotídeos para amplificação de um segmento do gene da flagelina (*flaB*). Amplificação com uma amostra de *pool* de ninfas de *A. brasiliense* foi observada e análise de sua sequência nucleotídica revelou 99% de identidade com sequência de Candidatus *B. ivorensis* identificada no carrapato da espécie *A. variegatum* na Costa do Marfim.

Palavras-chave: *Borrelia* spp., *Amblyomma brasiliense*, Brasil.

Apoio financeiro: CNPq.