

**ESTUDIO SISTEMÁTICO DE ARGÁSIDOS (IXODIDA: ARGASIDAE) ASOCIADOS CON MURCIÉLAGOS DE MÉXICO.****SYSTEMATIC STUDY OF ARGASIDS (IXODIDA: ARGASIDAE) ASSOCIATED WITH BATS FROM MEXICO.****A. Rebollo-Hernández^{1,2} & C. Guzmán-Cornejo²**

¹Posgrado en Ciencias Biológicas y ²Laboratorio de Acarología, Facultad de Ciencias, Universidad Nacional Autónoma de México Av. Universidad 3000, Ciudad De México, 04510, México.

Los argásidos están representados actualmente por cerca de 210 especies, sin embargo, su clasificación es controvertida. Una de éstas propone la inclusión de los géneros *Antricola* y *Nothoaspis*, así como algunas especies de los géneros *Argas* y *Ornithodoros* en el género *Carios*. Lo anterior llevó a sugerir la necesidad de usar más taxones y nuevos caracteres, que permitan proponer una hipótesis filogenética más robusta. Con base en lo anterior, el objetivo de este trabajo es aportar información morfológica y molecular a la sistemática del grupo a partir del estudio de argásidos asociados con murciélagos en cuevas de México. Se visitaron un total de 13 cuevas de ocho estados (Chiapas, Colima, Morelos, Nayarit, San Luis Potosí, Tamaulipas, Veracruz y Yucatán) con el fin de coleccionar argásidos sobre las paredes de estos ambientes, guano y murciélagos. Los ejemplares coleccionados fueron fijados en alcohol al 96% y conservados en viales para su determinación taxonómica y análisis molecular. Para este último se amplificaron fragmentos de los genes Citocromo Oxidasa I (COI) y 16S rDNA. Con base en las secuencias obtenidas y secuencias almacenadas en GenBank se realizó un análisis filogenético utilizando el método probabilístico de Máxima Verosimilitud (ML). En total se obtuvieron 611 argásidos, distribuidas en ocho especies y dos taxones, pertenecientes a los géneros *Antricola* y *Ornithodoros*. Debido a que no se obtuvieron las mismas secuencias para todos los taxones, los análisis se realizaron de manera individual. Aunque con ambos se pudieron delimitar los taxones previamente definidos morfológicamente. Con el análisis de COI se incluyeron secuencias nuevas para seis taxones, y se corroboró la identidad de tres especies (*A. marginatus*, *A. mexicanus* y *O. yumatensis*) tomando como base secuencias previas depositadas en GenBank. Mientras que para el análisis con el gen 16S rDNA se anexaron secuencias nuevas para tres taxones, y se corroboró la identidad de siete taxones (*A. marginatus*, *A. mexicanus*, *O. brodyi*, *O. dyeri*, *O. knoxjonesi*, *O. marinkellei* y *O. yumatensis*). Finalmente, con base en los análisis morfológicos y moleculares, podemos confirmar el nuevo registro de una especie de *Antricola* en el país, así como, dos especies del género *Ornithodoros* (*O. clarki* y *O. marinkellei*).

Palabras-clave: garrapatas, filogenético, Chiroptera, COI, 16S

Financiamiento: PAPIIT-DGAPA (IN214114) y CONACyT