



# XLI Congresso Paulista de Fitopatologia

20 a 22 de fevereiro de 2018  
Marília - SP

**IDENTIFICAÇÃO DE BACTÉRIAS DO GÊNERO *DICKEYA*, CAUSADORAS DE QUADROS DE PODRIDÃO MOLE, EM NÍVEIS ESPECÍFICOS E INFRAESPECÍFICOS.** Identification of bacteria within *Dickeya* genera, the soft rot causative agent, at specific and infraspecific levels. B. F. BORTOLOSSI<sup>1</sup>, L. O. S. BERIAM<sup>1</sup>, B. P. AUGUSTO<sup>1</sup>, S. A. L. DESTEFANO<sup>1</sup>, M. F. TONIN<sup>1</sup>.  
<sup>1</sup>Instituto Biológico (IB). baafernanda@hotmail.com.

A espécie *Erwinia chrysanthemi* foi, a partir de 2005, reclassificada, sendo alocada no gênero *Dickeya*, englobando sete novas espécies (*D. chrysanthemi*, *D. dadantii*, *D. dianthicola*, *D. dieffenbachiae*, *D. paradisíaca*, *D. zaeae* e *D. solani*). Essa fitobactéria é responsável por causar a chamada “podridão mole” em um grande número de hospedeiros, incluindo olerícolas e ornamentais. Desta forma, as linhagens de *Dickeya* spp. incorporadas à Coleção de Culturas de Fitobactérias do Instituto Biológico, tiveram suas identificações refeitas à luz das modificações na taxonomia, utilizando-se de diversas ferramentas, como testes bioquímicos, patogênicos e moleculares. Sendo assim, após a realização dos testes bioquímicos e comprovação da patogenicidade das bactérias, foi possível até o momento, através da literatura, identificar 5 linhagens, onde 3 foram alocadas como *Dickeya chrysanthemi* pv. *chrysanthemi* (IBSBF-1030, IBSBF-1139, IBSBF-1028), e duas como *Dickeya zaeae* (IBSBF-976, IBSBF-977). Há ainda testes bioquímicos sendo conduzidos e também estão em andamento testes moleculares para análise desses isolados.