



ANÁLISE PROTEÔMICA DURANTE A MORFOGÊNESE DE ESTRUTURAS SEMELHANTES A PROTOCORMOS DE *Cattleya tigrina* A. RICHARD.

DANIELA DE CONTI¹; JENNY PAOLA CORREDOR-PRADO²; JESSICA CAVALHEIRO FERREIRA BUENO³; GABRIELA CLAUDIA CANGAHUALA INOCENTE⁴; MIGUEL PEDRO GUERRA⁵; ROSETE PESCADOR⁶

¹ Bióloga, estudante de pós-graduação, Universidade Federal de Santa Catarina, Centro de Ciências Agrárias - SC, e-mail: danideconti@yahoo.com.br

² Bióloga, estudante de pós-graduação, Universidade Federal de Santa Catarina, Centro de Ciências Agrárias - SC, e-mail: jennypaolacp@gmail.com

³ Estudante de Graduação, Universidade Federal de Santa Catarina, Centro de Ciências Agrárias - SC, e-mail: jessicacfbueno@hotmail.com

⁴ Bióloga, Pós-Doutoranda, Universidade Federal de Santa Catarina, Centro de Ciências Agrárias - SC, e-mail: gcangahu@hotmail.com

⁵ Professor da Universidade Federal de Santa Catarina, Departamento de Fitotecnia, e-mail: miguel.guerra@ufsc.br

⁶ Professora da Universidade Federal de Santa Catarina, Departamento de Fitotecnia, e-mail: rosete.pescador@ufsc.br

Resumo: Objetivou-se quantificar os teores de proteínas totais, detectar e identificar as proteínas expressas durante a formação das Estruturas Semelhantes a Protocormos (ESPs) de *C. tigrina*. Folhas cultivadas em meio de cultura para indução e formação de ESPs foram coletadas aos 0, 2, 7 e 14 dias. A extração das proteínas foi realizada com fenol e a 2DE carregada segundo protocolo do laboratório. Os géis corados foram digitalizados e analisados pelo *ImageMaster Platinum* v.7. Os teores de proteínas totais aos 0 e 2 dias de cultivo foram baixos, não diferindo estatisticamente. Aos 7 e 14 dias houve incremento nas concentrações de proteínas totais apresentando diferenças entre si com médias de 4,27 e 5,61 mg.g⁻¹MF respectivamente. Nos géis 2DE detectou-se 323, 173, 224 e 144 spots nos dias 0, 2, 7 e 14 respectivamente, podendo evidenciar alterações na síntese proteica nesses diferentes estágios.

Palavras-chave: proteínas; orquídea.