



**SELEÇÃO DE MARCADORES ISSR (*INTER-SIMPLE SEQUENCE REPEAT*)
PARA ESTUDO DA DIVERSIDADE GENÉTICA EM *Euphorbia heterophylla* L.**

DÉBORA DA SILVA¹; ANA CLARA DE SOUZA MEIRELLES²; CLAUDETE APARECIDA MANGOLIN³; MARIA DE FÁTIMA PIRES DA SILVA MACHADO⁴

¹ Bióloga, estudante de pós-graduação, Universidade Estadual de Maringá, Maringá - PR, e-mail: dhebybio@gmail.com

² Bióloga, estudante de pós-graduação, Universidade Estadual de Maringá, Maringá - PR, e-mail: anameirelles83@gmail.com

³ Professora da Universidade Estadual de Maringá - PR, Departamento de Genética e Biologia Celular, e-mail: mangolinca@gmail.com

⁴ Professora da Universidade Estadual de Maringá - PR, Departamento de Genética e Biologia Celular, e-mail: mfpsmachado@uem.br

Resumo: A espécie *Euphorbia heterophylla* L. é uma planta daninha que infesta várias culturas, dentre elas a soja. Assim o objetivo deste estudo foi padronizar as reações e selecionar marcadores ISSR para avaliar a diversidade genética em 132 amostras de leiteiro coletadas em diversas regiões do PR, SP e RS, para verificar como estas populações estão geneticamente estruturadas. Dos 30 *primers* de ISSR avaliados, apenas nove amplificaram o DNA das 132 amostras de *E. heterophylla*. Em nível populacional foi observada uma ampla diversidade genética, o polimorfismo médio nas sequências ISSR foi de 98,50%. A diversidade total (Ht) avaliada para todas as plantas dos 10 locais de coletas foi 0,3611 e o nível de divergência genética (G_{ST}) foi alto (0,3607), indicando que as amostras coletadas nas diferentes regiões formam amostras geneticamente divergentes. Desta forma, os nove marcadores ISSR identificados no presente estudo poderão ser usados para monitorar efeitos de tipos ou doses diferentes de herbicidas sobre o genoma de leiteiro, e como fatores determinantes, ou não determinantes, da estrutura de populações de *E. heterophylla*.

Palavras-chave: Marcadores ISSR; Genética de populações; Leiteiro.