



AVALIAÇÃO DA DIVERSIDADE GENÉTICA EM GERMOPLASMA DE TRIGO (*Triticum aestivum*) UTILIZANDO MARCADORES ISSR E SSR

POLYANA BARROS POLIDO¹; MARIA CAROLINE RAMPIM²; RAFAÉLLA DAVID PIFFER²; GIOVANNA CARNEIRO LUIZ²; DEOCLÉCIO DOMINGOS GARBÚBLIO³; SILVIA GRACIELE HÜLSE DE SOUZA⁴

¹ Discente do Programa de Pós-graduação em Biotecnologia Aplicada à Agricultura, Universidade Paranaense, Umuarama-PR.

² Discente do Curso de Farmácia, Universidade Paranaense, Umuarama-PR.

³ Pesquisador do Instituto Agronômico do Paraná, Londrina-PR.

⁴ Docente do Programa de Pós-graduação em Biotecnologia Aplicada à Agricultura, Universidade Paranaense, Umuarama-PR. E-mail: silviahulse@unipar.br

Resumo: Conhecer a variabilidade genética existente entre cultivares de trigo é de grande importância para os programas de melhoramento. Este trabalho foi realizado com o objetivo de acessar a diversidade genética entre genótipos de trigo pertencentes ao Banco Ativo de Germoplasma de Trigo (BAGT) do IAPAR, utilizando marcadores moleculares ISSR e SSR e comparar a variabilidade genética obtida. Foram avaliados 32 acessos de trigo e 1 triticales a partir de 10 e 17 *primers* de ISSR e SSR que amplificaram um total de 66 e 69 locus polimórficos, respectivamente. A similaridade genética para os ISSRs variou de 0,29 a 0,93, enquanto que para os SSRs variou de 0,21 a 0,91. Os dendrogramas resultantes agruparam os genótipos em cinco e três grupos principais para os marcadores ISSR e SSR, respectivamente. Os marcadores ISSRs foram eficientes para a validação dos dados de pedigree enquanto que os SSRs para a identificação de genótipos. Por acessarem regiões distintas do genoma a escolha do marcador vai depender das características do material utilizado e dos objetivos do trabalho. Os marcadores utilizados nesse trabalho estabelecem um conjunto de marcadores polimórficos que poderão ser empregados nos programas de melhoramento de trigo.

Palavras-chave: análise molecular, variabilidade genética e locos microssatélites.