



CARACTERIZAÇÃO MOLECULAR DE FUNGOS DO GÊNERO *Cladosporium* EM NINHOS DE FORMIGAS CORTADEIRAS

BRUNA CRISTINA CUSTÓDIO^{1a}; ANDRÉ RODRIGUES^{1b}

¹ Departamento de Bioquímica e Microbiologia, Universidade Estadual Paulista, Campus de Rio Claro, SP, email: ^abrunacristinacustodio@gmail.com; ^bandrer@rc.unesp.br.

Os ninhos das formigas cortadeiras abrigam uma microbiota diversa, incluindo bactérias, fungos filamentosos e leveduras. *Cladosporium* é um gênero de fungo filamentoso que ocorre frequentemente nos ninhos desses insetos. O objetivo do presente estudo foi caracterizar isolados de *Cladosporium* provenientes de ninhos de *Atta sexdens rubropilosa*, formiga popularmente conhecida como saúvalimão. Para tanto, 29 linhagens de *Cladosporium* isoladas de jardins de fungo dessa formiga foram submetidas a extração de DNA genômico, amplificação e sequenciamento do gene que codifica para o fator alfa de alongação (*tef1*). Após comparação das sequências obtidas com aquelas depositadas na base de dados do NCBI-GenBank, foram identificados cinco táxons, a saber: *Cladosporium angustisporum* (n= 4 isolados), *Cladosporium pseudocladosporioides* (n= 10), *Cladosporium* sp. 1 (n= 9), *Cladosporium* sp. 2 (n= 5) e *Cladosporium* sp. 3 (n= 1). Esse é o primeiro relato de *C. angustisporum* e *C. pseudocladosporioides* em ninhos de formigas cortadeiras. Segundo nossos resultados, o táxon *Cladosporium* sp. 3 pode representar uma possível nova espécie, devido aos baixos valores de similaridade encontrados nas bases de dados. A comparação das sequências geradas nesse estudo com as sequências dos bancos de dados não fornece informação suficiente para a correta identificação das espécies dos fungos em questão, portanto, serão realizadas análises filogenéticas para elucidar a afiliação taxonômica dos isolados em questão.

Palavras-chave: Filogenia, sequenciamento, taxonomia

Apoio: FAPESP