



**AVALIAÇÃO DE POLIMORFISMO DE ÚNICO NUCLEOTÍDEO NOS GENES LCORL E ASSOCIAÇÃO DE COM MEDIDAS MORFOMÉTRICAS DE PÔNEIS BRASILEIRO**

CELIA RAQUEL QUIRINO<sup>1</sup>; AYLTON BARTHOLAZZI JUNIOR; WILDER HERNANDO ORTIZ VEJA; THIAGO DA SILVA CORRÊA; MIGUEL ALEJANDRO DA SILVA RUA; LUIS FONSECA MATOS

<sup>1</sup> Laboratório de Reprodução e Melhoramento Genético Animal, Universidade Estadual do Norte Fluminense, Campos dos Goytacazes - RJ, e-mail: crq@uenf.br

Objetivou-se identificar a presença da mutação SNP no gene LCORL e a associação destas mutações com medidas morfométricas de equinos Pôneis Brasileiro. Foram coletadas medidas de altura á cernelha, altura á garupa e comprimento do corpo. Amostras de pêlo dos animais foram coletadas para extração de DNA pelo método de extração alcalino. A quantificação do DNA foi realizada no aparelho NanoDrop®. Os primers foram desenhados no software Gener Runner® e avaliados no software Primer Express®. Foi realizada a amplificação dos fragmentos de DNA pela técnica da reação em cadeia da polimerase e realizada a eletroforese em gel de poliacrilamida não desnaturante a 8% para visualização e confirmação da amplificação dos fragmentos de interesse. Foi realizada a digestão com enzima de restrição no termociclador Applied Veriti® para identificar os diferentes alelos nos genes estudados, as enzimas de restrição foram escolhidas através do NEBcutter V2.0. Os dados foram analisados pelo procedimento MIXED, SAS. O gene LCORL mostrou associação com altura na cernelha em equinos, registro nº: rs68603064 com a variação de T/C no cromossomo 3 dos equinos, apresentou o alelo mutante “T” em todos os equinos da raça Pônei Brasileiro avaliados. As médias e desvio padrão foram 0,86±0,06 m para altura á cernelha; 0,87±0,06 m para altura á garupa e 0,92±0,07 m para comprimento do corpo. As correlações entre as características foram altas.

**Palavras-chave:** Marcadores moleculares; medidas lineares; equinos.