



DIVERSIDADE GENÉTICA DE 26 ACESSOS DE *Paspalum* COM POTENCIAL FORRAGEIRO

BIANCA BACCILI ZANOTTO VIGNA¹; MÔNICA MASCARO RUSCITO²;
ALESSANDRA PEREIRA FÁVERO³; FREDERICO DE PINA MATTA⁴

¹Pesquisadora - Empresa Brasileira de Pesquisa Agropecuária, Embrapa Pecuária Sudeste, e-mail: bianca.vigna@embrapa.br

² Estudante de graduação, Universidade de Araraquara, Araraquara - SP, e-mail: nica-rusc@hotmail.com

³Pesquisadora - Empresa Brasileira de Pesquisa Agropecuária, Embrapa Pecuária Sudeste, e-mail: alessandra.favero@embrapa.br

⁴Pesquisador - Empresa Brasileira de Pesquisa Agropecuária, Embrapa Pecuária Sudeste, e-mail: frederico.matta@embrapa.br

Resumo: *Paspalum* é um gênero americano de gramíneas, dentro do qual algumas espécies apresentam potencial forrageiro. Objetivou-se avaliar a diversidade genética de 26 acessos do gênero selecionadas para uso como forrageira, pertencentes a 13 espécies, através da caracterização molecular por marcadores microssatélites. Os acessos são oriundos do Banco Ativo de Germoplasma de *Paspalum*, localizado na Embrapa Pecuária Sudeste. Foram testados 28 locos microssatélites, previamente desenvolvidos para diferentes espécies de *Paspalum*, dos quais 8 apresentaram boa amplificação e foram polimórficos nos genótipos avaliados. O número de alelos por loco variou de 9 (PN02-B5) a 25 (PN03-A6) e, dentre os marcadores utilizados, o loco mais informativo foi o PA02-B6. Foi realizada uma análise de agrupamento com o coeficiente de similaridade de Jaccard, o qual variou entre 0,1 e 0,7. Observou-se uma tendência de agrupamento de acessos da mesma espécie, ou de espécies próximas, ou pertencentes a grupos botânicos próximos. Na análise de atribuição dos genótipos em subpopulações, através do software STRUCTURE, foram obtidos quatro grupos com pools alélicos distintos, corroborando os resultados anteriores e indicando uma grande diversidade genética entre os acessos avaliados.

Palavras-chave: Diversidade genética; Microssatélites; SSR; Forrageiras; Gramíneas Nativas