



**ANÁLISE GENÉTICA DE TRÊS ESPÉCIES DE CAMARÃO
COMERCIALIZADAS NO LITORAL DO ESTADO DE SÃO PAULO**

ALINE LEÃO VALENTIM¹; ROSÂNGELA LOPES ZAGANINI²; FERNANDA
DOTTI DO PRADO³; FÁBIO PORTO-FORESTI⁴

¹ Bióloga, Estudante de Pós-Graduação, Universidade Estadual Paulista “Júlio de Mesquita Filho”, Campus de Bauru – SP, e-mail: aline_valentimm@hotmail.com

² Pesquisadora do Laboratório de Genética de Peixes, Universidade Estadual Paulista “Júlio de Mesquita Filho”, Campus de Bauru – SP, e-mail: rozaganini@yahoo.com.br

³ Pesquisadora, Laboratório de Genética de Peixes, Universidade Estadual Paulista “Júlio de Mesquita Filho”, Campus de Bauru – SP, e-mail: ferprado_bio@hotmail.com

⁴ Professor da Universidade Estadual Paulista “Júlio de Mesquita Filho”, Campus de Bauru, Departamento de Ciências Biológicas, e-mail: fpforesti@fc.unesp.br

Resumo: O uso de marcadores moleculares tem permitido um rápido progresso nas investigações da diferenciação de espécies, variabilidade genética e níveis de endogamia, análises de parentesco, e na construção de alta resolução de mapas genéticos para espécies de aquicultura. O presente trabalho objetivou promover uma análise da distância genética de três principais espécies de camarão comercializadas no litoral do estado de São Paulo com a utilização de marcadores moleculares. Com o Protocolo de Extração de Nadadeiras de Peixes, foi extraído o tecido de camarões coletados em Ubatuba, e para amplificação do gene citocromo oxidase I (COI), foram utilizados dois primers (COIf5' e TL2N). Posteriormente, foi feito o sequenciamento, para o alinhamento foi empregado o programa Genious e para o cálculo da distância genética o programa MEGA. Inicialmente foi utilizado o sistema BLAST (GenBank), que permitiu a identificação das espécies, com alta similaridade (98-99%). A distância genética entre as espécies variou de 0,21 a 0,23, sendo a maior entre as espécies *Xiphopenaeus kroyeri* e *Pleoticus muelleri* (0,234), e a menor foi entre *Farfantepenaeus brasiliensis* e *Pleoticus muelleri* (0,211). Esses resultados nos possibilitaram diferenciar as espécies e são úteis para estudos futuros, como para o desenvolvimento de outros marcadores moleculares, instrumentos que são utilizados na identificação de espécies.

Palavras-chave: Análise molecular; COI; distância genética.