



MARCADORES SSR SÃO EFICAZES NA IDENTIFICAÇÃO DE CULTIVARES E SELEÇÕES DE PEREIRAS

HÉLIDA MARA MAGALHÃES¹, JULIANA STRACIERI², LUCIANE VILELA RESENDE³

¹Engenheira Agrônoma, estudante de pós-graduação, Universidade Estadual Paulista-“Júlio de Mesquita Filho” UNESP Jaboticabal-SP, e-mail: juliana_unesp@hotmail.com

²Professora titular/Engenheira Agrônoma, Doutora Fitotecnia, Universidade Paranaense, Umuarama - PR, e-mail: helidamara@hotmail.com

³Professora/Engenheiro Agrônoma, Universidade Federal de Lavras, Lavras-MG e-mail: Luciane.vilela@dag.ufla.br

Resumo: A identificação de 19 cultivares de pêra (*Pyrus* sp.) asiáticas e européias coletadas em dois municípios do sul de Minas Gerais foi avaliada utilizando 21 pares de *primers* microssatélites. Relações entre as espécies foram avaliadas por meio da construção de dendrogramas, análise de coordenadas principais. Foram obtidos 189 fragmentos desses 156 foram locos polimórficos, os quais foram utilizados nas análises. No dendograma observou-se a formação de dois grupos, um maior composto por 16 cultivares e outro menor formado apenas por pêras asiáticas sendo elas Hosui, Atago e Shinseik. No maior grupo houve a formação de dois grupos menores 1 e 2. O sub-grupo 1 foi composto por cinco cultivares européias e uma asiática Manshu Mamenshi, já o sub-grupo 2 foi formado por nove cultivares européias e uma asiática, Taiwan Nashi. Com relação a pêra Hosui a baixa similaridade se deve a essa pertencer a espécie *Pyrus pyrifolia* e não a *Pyrus communis* como a maioria dos genótipos estudados. A pêra Manshu Mamenashi também está presente na relação dos genótipos com baixa similaridade genética, o que pode ser explicado por essa pêra pertencer a espécie *Pyrus betulaefolia* e não a *Pyrus communis* como a maioria dos genótipos estudados nesse trabalho. O agrupamento por coordenadas principais (PCoA) explicou 36,39% da diversidade existente. As cultivares de pereiras procedentes de diferentes municípios, formaram dois grupos distintos conforme ao agrupamento UPGMA.

Palavras-chave: *Pyrus* sp. Análise molecular, Coordenadas principais