



ESTUDOS FILOGENÉTICOS E DE DIVERSIDADE EM *Capsicum* E SUA APLICAÇÃO NA CONSERVAÇÃO E USO DE RECURSOS GENÉTICOS DAS ESPÉCIES *C. frutescens* E *C. chinense*

SABRINA ISABEL COSTA DE CARVALHO¹; FÁBIO GELAPE FALEIRO²

¹ Eng^a Agrônoma, estudante de pós-graduação, Universidade de Brasília e Analista, Embrapa Hortaliças, Brasília – DF e-mail: sabrina.carvalho@embrapa.br

² Pesquisador - Embrapa Cerrados e professor de pós graduação, Universidade de Brasília, Brasília - DF, e-mail: fabio.faleiro@embrapa.br

Resumo: As pimentas *Capsicum* são parte da riqueza cultural e do valioso patrimônio genético da biodiversidade brasileira. No presente trabalho, estudou-se a variabilidade genética de um banco de germoplasma com 115 acessos de *C. frutescens* e 480 de *C. chinense* visando subsidiar ações de conservação e uso dos recursos genéticos. As análises multivariadas foram realizadas com base em 57 características morfológicas, 30 primers ISSR (*Inter Simple Sequence Repeat*) e 239 alelos de 24 loci de marcadores SSR (*Simple Sequence Repeats*). Embora essas duas espécies apresentem similaridades e características compartilhadas, foram distintas pelas análises moleculares. Confirmou-se, no entanto, a ocorrência de híbridos naturais entre elas. Seis grupos de similaridade foram estabelecidos em *C. frutescens*, demonstrando existência de variabilidade genética para desenvolvimento de cultivares de pimenta malagueta. Para representação dessa variabilidade em uma coleção nuclear, a melhor estratégia foi a utilização de dados de SSR associados ao de incidência de viroses, que permitiram o estabelecimento de uma coleção com 13 acessos com 77% de representatividade alélica. A coleção nuclear foi comparada a uma população base de melhoramento genético por meio de características morfológicas e moleculares contendo 35% de representatividade alélica. De acordo com os resultados obtidos, verificou-se que os acessos da coleção nuclear podem aumentar a base genética dos programas de melhoramento genético de *C. frutescens*, maximizando as possibilidades de combinações gênicas desejáveis.

Palavras-chave: Pimentas; Coleção nuclear; Morfologia; Marcadores SSR.