



III Congresso Brasileiro de Recursos Genéticos

18 a 21 de novembro de 2014 Santos-SP

ISBN - 978-85-66836-07-3

VARIAÇÃO GENÉTICA PARA OS CARACTERES DE CRESCIMENTO EM UMA POPULAÇÃO DE CLONES DE SERINGUEIRA.

LETÍCIA DÉO SORATO¹; KASSIA KAROLINE VIEIRA²; DARLIN ULISES GONZALEZ ZARUMA³, RICARDO DE OLIVEIRA MANOEL⁴, WANDERLEY SANTOS⁵, PATRICIA FERREIRA ALVES⁶, MARIO LUIZ TEIXEIRA DE MORAES⁷.

¹Agrônoma, estudante de graduação, Universidade Estadual Paulista, Ilha Solteira – SP, e-mail: leticiadorsorato@gmail.com

²Agrônoma, estudante de graduação, Universidade Estadual Paulista, Ilha Solteira – SP, e-mail:kassiakarolinev@gmail.com

³Mestre em agronomia Universidade Estadual Paulista, Botucatu – SP, e-mail: dgzaruma@gmail.com

⁴Doutorando em agronomia Universidade Estadual Paulista, Ilha Solteira – SP, e-mail: rickom.is@gmail.com

⁵Doutorando em agronomia Universidade Estadual Paulista, Ilha Solteira – SP, e-mail: wanderley.santos@hotmail.com

⁶Pós-Doutoranda em agronomia Universidade Estadual Paulista, Ilha Solteira – SP, e-mail: patyferreiraalves@bol.com.br

⁷Professor Titular da Universidade Estadual Paulista, Ilha Solteira – SP, Departamento de Fitotecnia, e-mail: teixeira@agr.feis.unesp.br

Resumo: O objetivo do trabalho foi estimar a variação genética para os caracteres: perímetro altura do peito (PAP) e altura (H) em uma população de clones de seringueira em Selvíria-MS. O delineamento experimental utilizado foi o de blocos casualizados desbalanceado com quatro tratamentos (clones LCB 510, RRIM 600, IAN 876 e IAN 717), uma planta por parcela e repetições que variam de 157 (LCB 510) a 298 (IAN 717). As estimativas dos parâmetros genéticos tiveram por base os modelos lineares mistos. Verificou-se aos 33 anos que houve variação entre os clones com uma média geral de 20,93m (H) e 92,36cm (PAP), herdabilidade da média do genótipo 0,91 (H) e 0,97(PAP), acurácia de 95,4% (H) e 98,6% (PAP) e coeficiente de variação genotípica de 3,6% (H) e 7,8% (PAP). Dessa forma o carater PAP é o mais indicado para a seleção nesta população.

Palavras-chave: Seringueira; parâmetros genéticos; seleção.