

**CARACTERIZAÇÃO GENÉTICA DE POPULAÇÕES DE *Heterodera glycines* DE MUNICÍPIOS DA REGIÃO DA ESTRADA DE FERRO NO ESTADO DE GOIÁS.**

Genetic characterization of *Heterodera glycines* populations from the municipalities of the region of the Estrada de Ferro in state of Goiás. TAVARES, M.C.<sup>1</sup>; MOREIRA, J.A.A.<sup>2</sup>; MENDES, L.M.O.<sup>3</sup>; ARAÚJO, F.G.<sup>1</sup>; MENEZES, I.P.P.<sup>3</sup>. <sup>1</sup>Instituto Federal Goiano, Campus Urutaí, Urutaí, GO. <sup>2</sup>Doutoranda em Agronomia, Universidade Federal de Goiás, Escola de Agronomia, Goiânia, GO. <sup>3</sup>Laboratório de Genética Molecular, Instituto Federal Goiano, Campus Urutaí, Urutaí, GO. E-mail: mirianagro1@gmail.com

Estudar a diversidade genética do Nematóide de Cisto da Soja (NCS) é fundamental, pois esse nematóide apresenta alta variabilidade genética. O objetivo do trabalho foi a caracterização genética de populações de *H. glycines* provenientes de municípios, da região da Estrada de Ferro (Goiás) em raças e a caracterização molecular empregando marcadores de RAPD. No teste de raça o delineamento foi DIC com 30 (populações do NCS) x 6 (diferenciadoras de soja) com 10 repetições, sendo as diferenciadoras: Pickett, Pecking, PI 90763, PI 88788, Hartwig e Lee 74, inocularam as plantas com 4000 ovos e juvenis de segundo estágio de cada população de NCS. Após 30 dias da inoculação, avaliou o número de fêmeas de cada diferenciadora e calculou o índice de fêmeas (IF%) = número médio de fêmeas na diferenciadora / número médio de fêmeas na cultivar Lee 74)\*100%. Na caracterização molecular utilizou 28 primers RAPD, a extração de DNA foi realizada pelo método CTAB 2%. Quantificou-se o DNA por comparações visuais das bandas geradas em gel de agarose corado com brometo etídio. Reações de PCR foram feitas em termociclador e os produtos amplificados separados por eletroforese em gel de agarose contendo brometo de etídio e submerso em tampão TBE. Dados de RAPDs foram atribuídos com valores de 1 presença e 0 ausência da banda amplificada. A matriz binária foi usada para estimar a distância genética entre as populações com base na dissimilaridade de Jaccard. A análise de agrupamento com base na matriz de dissimilaridade genética calculada foi pelo método de Ward. Encontraram 8 raças: 1, 3, 4+, 6, 9, 10, 14 e 14+ distintas de *H. glycines* nos municípios. Dez primers foram polimórficos entre as populações do NCS. Cinco grupos foram geneticamente distintos entre as populações de *H. glycines*, ocorrendo variabilidade genética elevada.

Palavras-chave: *H. glycines*; RAPD; Teste de raça.