

INTERCEPTAÇÃO DE *Aphelenchoides bicaudatus* EM MUDAS DE VIDEIRA IMPORTADAS. Interception of *Aphelenchoides bicaudatus* in imported grapevines seedlings. GONZAGA, V.¹; SOUZA, E.S.C.². ¹Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia, Brasília, DF. ²Consultora/Fundação de Apoio a Pesquisa-UFG, Goiânia, GO. E-mail: vilmar.gonzaga@embrapa.br

A Estação Quarentenária da Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia realiza o serviço de intercâmbio de germoplasma vegetal para atender ao Sistema Nacional de Pesquisa Agropecuária. Assim, em 2017 foram introduzidos 23 acessos de *Vitis* spp. através de mudas, na forma de raiz nua. Para extração dos nematoides, primeiramente utilizou-se o método da Bandeja, e em seguida os materiais foram submetidos ao método de Coolen & D'Herde. Análise dos caracteres morfológicos, morfométricos e moleculares foi realizada para a identificação dos espécimes obtidos. Foram analisados os seguintes dados morfométricos: comprimento do corpo, do estilete, do saco pós-uterino, da cauda, V% e os valores dos índices a, c e c'. A caracterização molecular se deu inicialmente na extração do DNA total a partir de um único indivíduo (Holterman et al., Molecular Biology and Evolution, 23:1792-1800,2006), com adaptações. Através de PCR, obteve-se a amplificação de fragmentos das regiões 18S e ITS2/28S do rDNA. A PCR foi realizada em volume final de 50 µl, contendo: 5 µl de tampão 10X; 2,5 µl de MgCl₂ (50 mM); 4 µl de dNTP (10 mM de cada base); 2 µl de cada *primer* (10 mM); 0,5 µl (5 unidades/µl) de Taq DNA Polimerase; 26 µl de água Milli-Q e 8 µl do DNA molde (20 ng/µl). Foi realizado o sequenciamento direto dos fragmentos amplificados pelo método "BigDyeTerminator" por sequenciamento capilar automatizado pela Plataforma ABI PRISM 3730 XL (Macrogen, Korea). Uma vez obtidas, as sequências foram analisadas, editadas e confrontadas com o banco de dados do GenBank por meio da ferramenta Blastn. A análise dos dados morfométricos associada às características marcantes do término da cauda bifurcada e ovário longo, bem como a identidade molecular apresentada quando confrontadas com as sequências de outros "isolados" do GenBank resultaram na identificação do nematoide como *Aphelenchoides bicaudatus*.

Palavras-chave: *Aphelenchoides bicaudatus*; *Vitis* spp; identificação morfo-molecular.