



ISBN 978-85-66836-16-5

PRIMEIRO RELATO DA PODRIDÃO EM ESCAMAS DA CEBOLA CAUSADA POR *Burkholderia gladioli* pv. *allicola* NO ESTADO DE PERNAMBUCO / First report of onion sour skin caused by *Burkholderia gladioli* pv. *allicola* in the Pernambuco state. W.J. OLIVEIRA<sup>1</sup>; A.D.B. BAIA<sup>1</sup>; A.M.F. SILVA<sup>1</sup>; J.A. CANDEIA<sup>2</sup>; R.L.R. MARIANO<sup>1</sup>; E.B. SOUZA<sup>1</sup>; M.A.S. GAMA<sup>1</sup>. <sup>1</sup>Programa de Pós-Graduação em Fitopatologia, Universidade Federal Rural de Pernambuco, 52171-900, Recife, Brasil. / <sup>2</sup>Instituto Agrônomo de Pernambuco, Estação Experimental de Belém do São Francisco, 56440-000, Belém de São Francisco, Brasil. E-mail: marco.gama@ufrpe.br

A cultura da cebola pode ser acometida por diversas doenças, destacando-se a podridão em escamas, que pode causar perdas de até 50% da produção, e é causada por bactérias do complexo *Burkholderia cepacia*, *Burkholderia gladioli* pv. *allicola* e *Pseudomonas aeruginosa*. O presente estudo teve como objetivo identificar isolados causadores de podridão em escama da cebola obtidos em cultivos realizados nas cidades de Belém de São Francisco, Petrolândia e Orocó (Pernambuco) por meio do Sistema BIOLOG, sequenciamento da região do 16S rDNA e amplificação com *primer* específico. Os isolamentos foram realizados em meio Trypan Blue Tetracycline (TB-T), sendo obtidos cinco isolados (CRMB07, CRMB38, CRMB39, CRMB47 e CRMB89). A identificação bioquímica foi realizada por meio do sistema Biolog Gen III, chegando-se ao gênero *Burkholderia* sp. A partir do BLASTn das sequências da região 16S rRNA dos isolados CRMB07, CRMB38, CRMB39, CRMB47 e CRMB89 (GenBank KX015777.1, KX015790.1, KX015791.1, KX015792.1 e KX015778, respectivamente) foi observado 99% de similaridade com o isolado MTCC 12259 (GenBank KP842828.1) de *B. gladioli*. A análise filogenética realizada por meio de Inferência Bayesiana permitiu o agrupamento de todos os isolados com o isolado MTCC 12259 de *B. gladioli*, com probabilidade posterior de 100%. A identificação dos isolados foi confirmada utilizando-se o par de *primers* específicos CGM 23-1 e G23-2, os quais amplificaram um fragmento de 388 pb e são específicos para identificação de *B. gladioli*. Por fim, a patogenicidade em bulbos de cebola confirmou a identificação dos isolados de *B. gladioli* no patovar *allicola*. Uma vez que este patossistema é complexo e pouco estudado, o presente estudo ajuda a conhecer a etiologia da podridão em escamas da cebola em Pernambuco.

**Palavras-chave:** Podridão em escamas; *Allium cepa*; Identificação molecular.